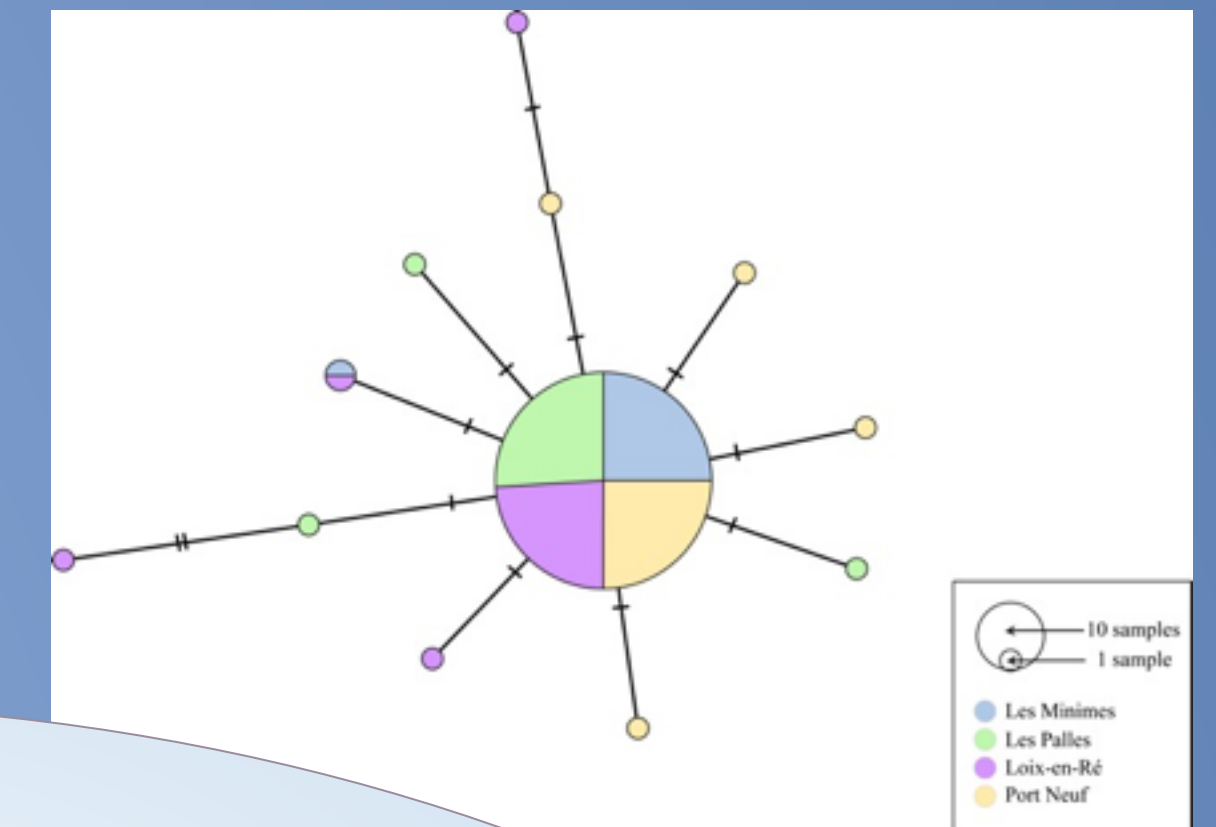
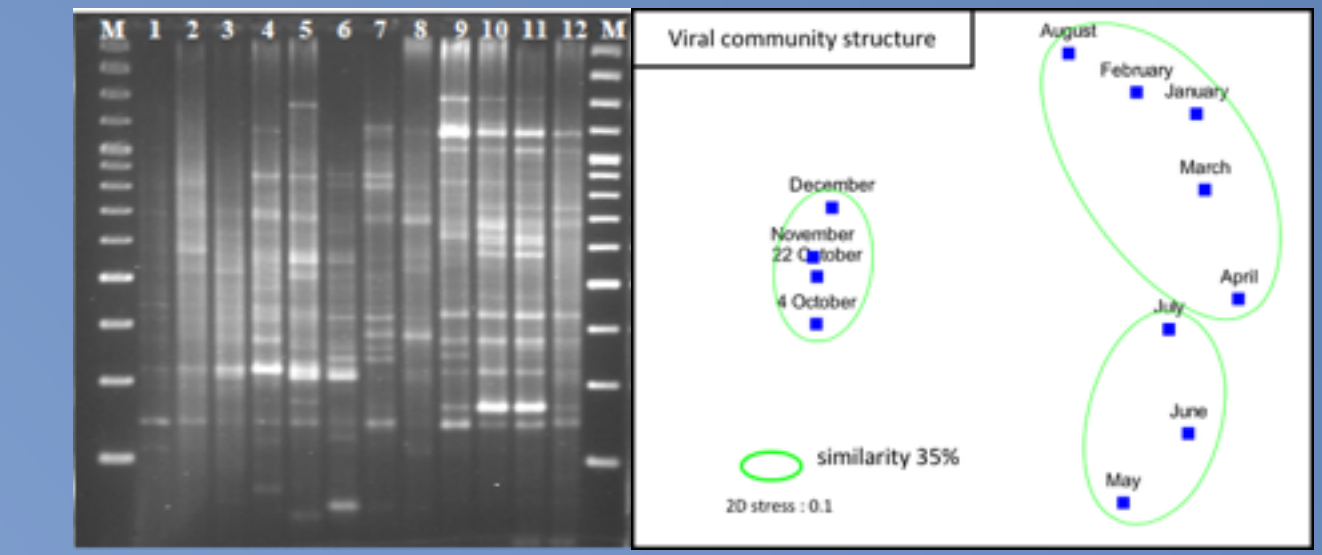
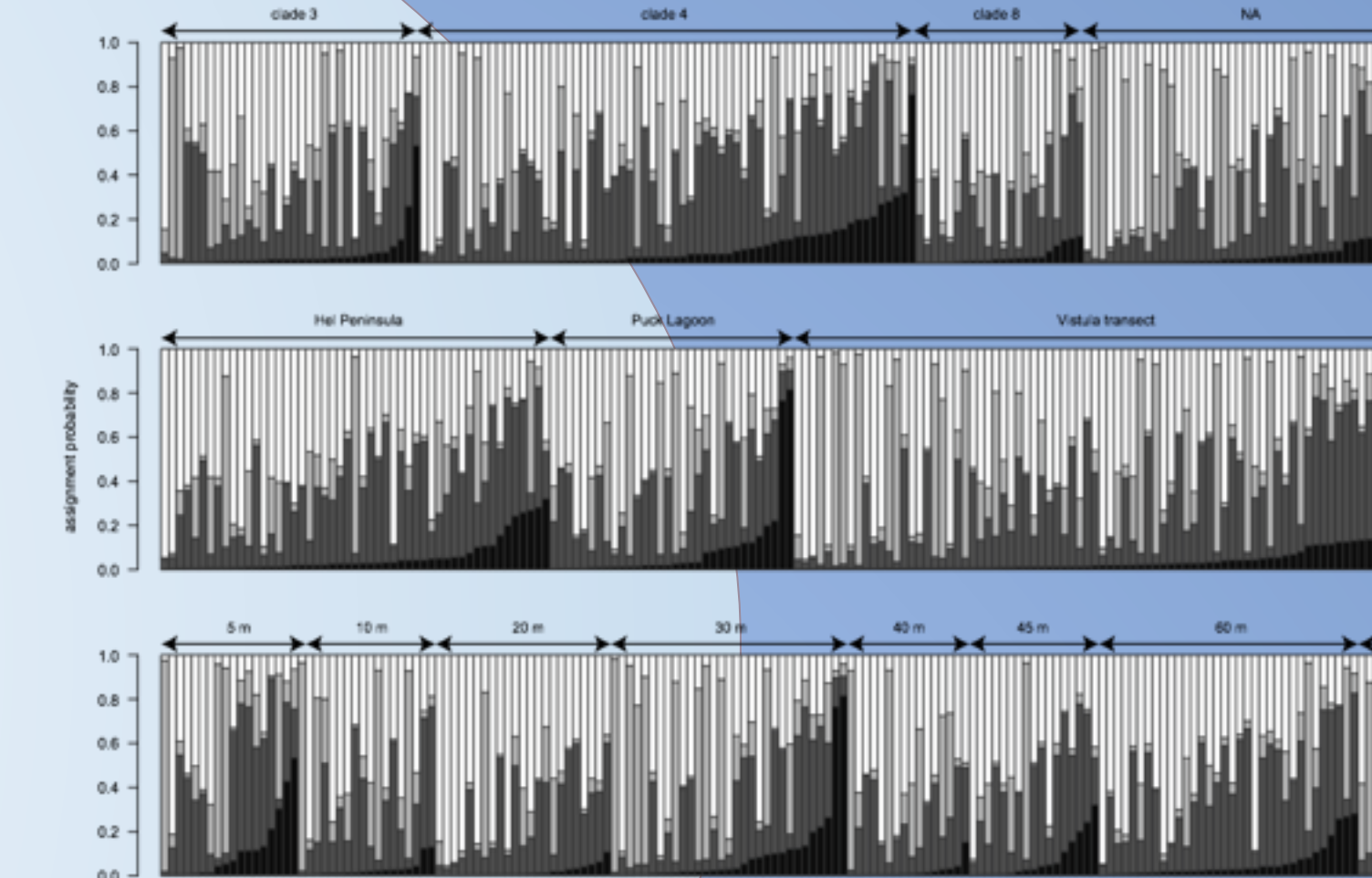


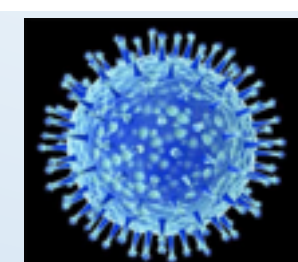
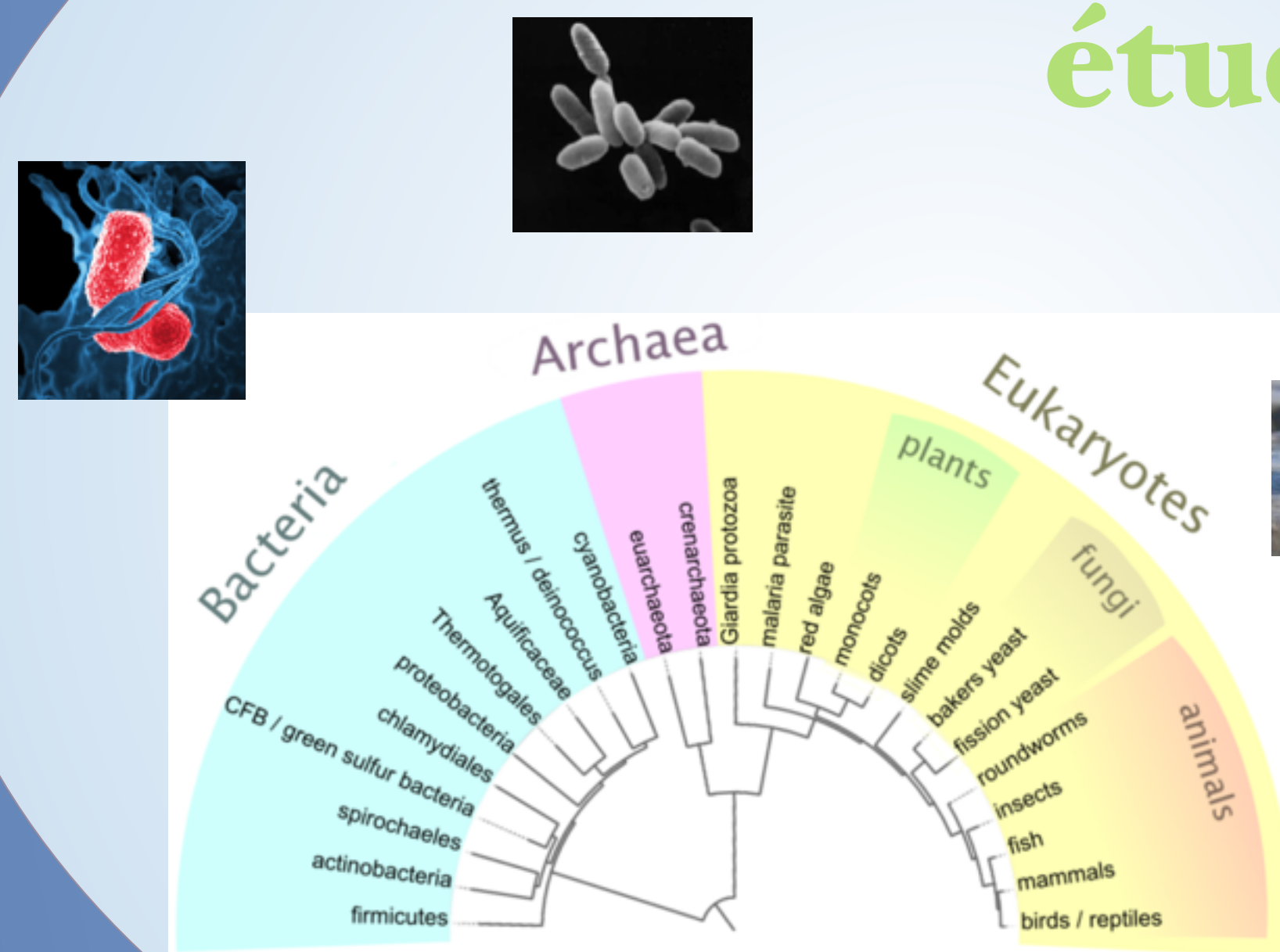


Approches scientifiques

- Phylogénétique
 - Génomique fonctionnelle
- Barcoding moléculaire
 - Diversité génétique et fonctionnelle
- Biologie évolutive
 - Adaptabilité
- Adaptation
 - Connectivité en milieu marin
- Réponse aux changements environnementaux



Organismes étudiés

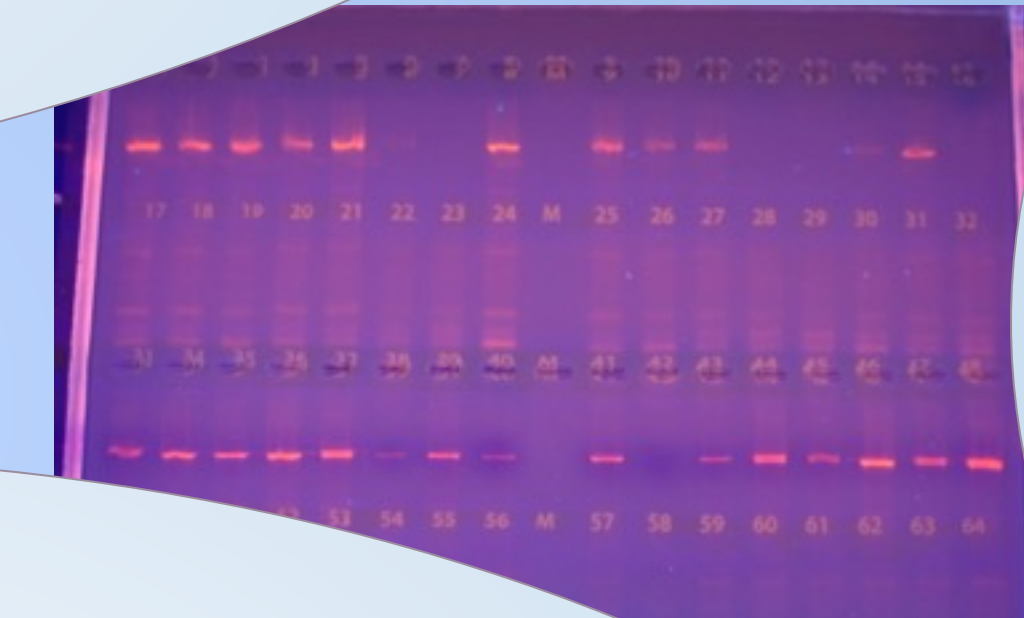


Corbis Matthias Kulka/Corbis



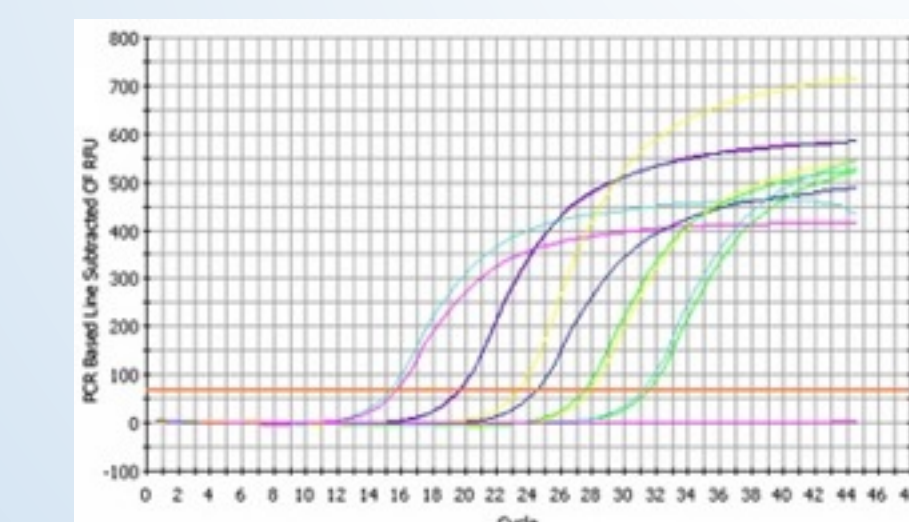
Moyens disponibles

5 thermocycleurs
2 PCR quantitative
1 séquenceur LICOR
1 nanodrop
1 station western blot



Méthodologie

- Extraction, amplification, quantification
 - ADN, ARN
 - Génotypage
 - PFGE
- DDGE
 - Western blot



2011-2015

Utilisateurs : 14 chercheurs (AMARE, DYFEA, AMES, PELAGIS, CEBC), 5 post-doc et 8 étudiants en thèse

Soutien financier : ULR, CNRS, Région (CPER), Europe (fonds FEDER)

Projets de recherche : 6 ANR, 1 EC2CO, 4 PRES

Publications : 20